USŁUGA	WBBIB	INNE JEDNOSTKI UJ	PODMIOTY ZEWNĘTRZNE
1. Projektowanie eksperymentów/Wyjaśnianie wyników:			
a) pierwsza godzina/jedno spotkanie przed i jedno po	bezpłatne	bezpłatne	bezpłatne
b) kolejne godziny	100 zł	123,70 zł	173,74 zł
2. Analiza RNA-seq / small RNA-seq (standardowe pipeline'y, genomy referencyjne, prosta kwantyfikacja referencyjnych transkryptów):			
a) mały projekt (do 12 próbek, do 2 porównań)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
b) średni projekt (13–30 próbek, do 4 porównań)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
c) duży projekt (31–80 próbek, do 6 porównań)	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) analiza niestandardowa	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
3. Analiza small RNA-seq (miRNA, siRNA, piRNA):			
a) mały projekt (do 12 próbek, do 2 porównań)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
b) średni projekt (13–30 próbek, do 4 porównań)	1 100 zł	1 360,70 zł	1911,11 zł
c) duży projekt (31–80 próbek, do 6 porównań)	1 100 zł	1 360,70 zł	1 911,11 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	2 250 zł	2 783,25 zł	3 909,09 zł
e) zbiory danych niestandardowe (np. mieszane biblioteki, zdegradowane RNA, niestandardowe referencje)	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: QC, usuwanie adapterów, mapowanie do referencji small RNA, kwantyfikację, analizę różnicowej ekspresji			
4. Analiza wzbogacenia funkcjonalnego	100 zł	123,70 zł	173,74 zł
5. Składanie genomu:			
a) Genom bakteryjny/prokariotyczny (≤ 10 Mbp)	400 zł	494,80 zł	694,95 zł
b) mały genom eukariotyczny (11–100 Mbp)	800 zł	989,60 zł	1 389,90 zł
c) średni genom eukariotyczny (101–1000 Mbp)	1 500 zł	1 855,50 zł	2 606,06 zł
d) duży genom eukariotyczny (1–4 Gbp)	2 500 zł	3 092,50 zł	4 343,44 zł
e) bardzo duży lub złożony genom	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
6. Predykcja genów (adnotacja strukturalna):			
a) podstawowa predykcja genów (oparta na referencji/prosta *ab initio*)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
b) predykcja genów oparta na danych (wsparta RNA-seq, standardowe pipeline'y) (alignment RNA-seq, hints, standardowy AUGUSTUS / BRAKER)	2 500 zł	3 092,50 zł	4 343,44 zł
c) zaawansowana adnotacja genomu (trenowanie modeli, maskowanie powtórzeń, niestandardowe pipeline'y) (RepeatModeler, RepeatMasker, trenowanie, optymalizacja, debugowanie)	4 000 zł	4 948,00 zł	6 949,50 zł
d) złożone lub niestandardowe projekty	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
7. Adnotacja funkcjonalna genów (*in silico* blastp/diamond)	400 zł	494,80 zł	694,95 zł
8. Analiza wariantów (małe kohorty):			
a) mały projekt (2–5 próbek)	400 zł	494,80 zł	694,95 zł

b) średni projekt (6–20 próbek)	900 zł	1 113,30 zł	1 563,64 zł
c) duży projekt (21–50 próbek)	1500 zł	1 855,50 zł	2 606,06 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: wykrywanie SNP/INDEL, filtrowanie, porównanie case-control, adnotację funkcjonalną			
9. Badania asocjacyjne w skali całego genomu (GWAS):			
a) eksploracyjne GWAS (100–300 próbek)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
b) standardowe GWAS (301–1000 próbek)	1 750 zł	2 164,75 zł	3 040,41 zł
c) duże GWAS (1000+ próbek)	3 000 zł	3 711,00 zł	5 212,12 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: QC, PCA, testy asocjacyjne, wizualizację			
10. Analiza RAD-seq (standardowa analiza (dobrze sformatowane dane, standardowe pipeline'y):			
a) mały (do 20 próbek)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
b) średni (21–100 próbek)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
c) duży (100+ próbek)	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
d) zbiory danych niestandardowe lub złożone (wymagany rozwój pipeline'u)	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
11. Analiza modyfikacji epigenetycznych:			
a) Analiza metylacji mikromacierzy (do 50 próbek)	750 zł	927,75 zł	1 303,03 zł
b) RRBS / sekwencjonowanie bisulfidowe o zredukowanej reprezentacji (małe–średnie projekty)	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
c) WGBS / sekwencjonowanie całogenomowe bisulfidowe	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
d) wykrywanie modyfikacji ONT/PacBio	2 500 zł	3 092,50 zł	4 343,44 zł
e) projekty złożone lub niestandardowe	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
12. Standardowa analiza proteomiki nietargetowanej:			
a) mały projekt (do 12 próbek, do 2 porównań)	250 zł	309,25 zł	434,34 zł
b) średni projekt (13–30 próbek, do 4 porównań)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
c) duży projekt (31–80 próbek, do 6 porównań)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) analiza niestandardowa	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
13. Metabolomika:			
a) mały projekt (do 12 próbek, do 2 porównań)	250 zł	309,25 zł	434,34 zł
b) średni projekt (13–30 próbek, do 4 porównań)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
c) duży projekt (31–80 próbek, do 6 porównań)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) analiza niestandardowa	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
14. Predykcja interakcji miRNA–mRNA:			
a) standardowa analiza	250 zł	309,25 zł	434,34 zł

b) rozszerzona analiza (duże zestawy genów, wiele warunków, integracja z danymi ekspresji)	800 zł	989,60 zł	1389,90 zł
c) analiza złożona lub niestandardowa	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
15. Analiza metagenomiczna (16S/sekwencjonowanie amplikonowe):			
a) mały projekt (do 20 próbek)	500 zł	618,50 zł	868,69 zł
b) średni projekt (21–100 próbek)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
c) duży projekt (100+ próbek)	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) niestandardowe pipeline'y (np. workflow specyficzny dla ONT)	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: profilowanie taksonomiczne, analizę różnorodności, wizualizację			
16. Metagenomika shotgun (WGS mikrobiomu):			
a) mały projekt (do 10 próbek)	750 zł	927,75 zł	1 303,03 zł
b) średni projekt (11–50 próbek)	1 500 zł	1 855,50 zł	2 606,06 zł
c) duży projekt (50+ próbek)	2 500 zł	3 092,50 zł	4 343,44 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) składanie/binning lub analizy złożone	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: profilowanie taksonomiczne i funkcjonalne			
17. Analiza single-cell RNA-seq (scRNA-seq):			
a) mały projekt (do 5 próbek)	750 zł	927,75 zł	1303,03 zł
b) średni projekt (6–20 próbek)	1 500 zł	1 855,50 zł	2 606,06 zł
c) duży projekt (20+ próbek)	2 500 zł	3 092,50 zł	4 343,44 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
e) duże zbiory danych (wysoka liczba komórek) lub złożone projekty	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
Zawiera: QC, normalizację, klasteryzację, adnotację, analizę różnicowej ekspresji			
18. Analiza single-cell ATAC-seq (scATAC-seq):			
a) mały projekt (do 5 próbek)	1 000 zł	1 237,00 zł	1 737,38 zł
b) średni projekt (6–20 próbek)	2 000 zł	2 474,00 zł	3 474,75 zł
c) duży projekt (20+ próbek)	3 500 zł	4 329,50 zł	6 080,81 zł
d) bardzo duży lub złożony projekt	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
19. Integracja multi-omics (scRNA-seq/scATAC-seq)	wycena indywidualna	wycena indywidualna	wycena indywidualna
20. Niestandardowa analiza bioinformatyczna	100 zł/godz. lub wycena indywidualna	123,70 zł/godz. lub wycena indywidualna	173,74 zł/godz. lub wycena indywidualna

Czerwiec 2026